

Diseños de bloques balanceados incompletos (bibd) a través de un enfoque matricial

Manuel R. Piña¹, Manuel A. Rodríguez² y Evelyn H. Castañeda²

RESUMEN

Frecuentemente en la experimentación a través del diseño de bloques incompletos, encontramos que la información de la matriz C es una matriz singular, razón por la cual esta matriz no es invertible. En este artículo proponemos un enfoque matricial para calcular el efecto del vector de los tratamientos mediante la determinación de la pseudoinversa de C en el diseño de bloques incompletos balanceados (BIBD) y la construcción de la tabla del ANOVA en este enfoque para checar los términos significativos y la falta de ajuste del modelo.

Palabras Clave: Matriz Singular, Seudo-inversa, Descomposición del Valor Singular, Diseño de Bloques Balanceados Incompletos.

INTRODUCCIÓN

Los diseños de bloques en general, son arreglos que se realizan con la finalidad de tener el control de forma sistemática sobre la variabilidad debida a fuentes externas. Cuando estas fuentes de variabilidad existen, es posible generar diseños por bloques capaces de separar y eliminar esta variación del resto de los efectos de los factores de interés. Preece (1967) introduce para estos objetivos, los diseños balanceados incompletos anidados en los que dentro de cada bloque del diseño de bloques incompleto, otro bloque incompleto es anidado. Singh y Dey (1979), consideran diseños experimentales de este tipo a los que llamaron Diseños de Bloques

¹ Manuel R. Piña Monarrez, cursa el grado de Doctor en Ciencias con Especialización en Ingeniería Industrial. Este artículo, se basa en su disertación doctoral "Metodología Robusta para Superficies de Respuestas". Programa Doctoral, Instituto Tecnológico de Ciudad Juárez, México. romanpin1970@yahoo.com.mx

² División de Estudios de Posgrado e Investigación, Instituto Tecnológico de Ciudad Juárez, México.
CULCyT//Enero-Febrero, 2006

Incompletos con Filas y Columnas Anidados (BIBRC) por sus siglas en ingles (Balanced Incomplete Block Design with Nested Rows and Columns). En particular, los Diseños de Bloques Incompletos Balanceados (BIBD) por sus siglas en ingles (balanced incomplete blocks design) los cuales son arreglos experimentales que permiten eliminar las fuentes de variabilidad de los efectos de los tratamientos. Así, el modelo a estimar esta dado por:

$$Y_{ij} = \mu + \tau_i + \beta_j + \varepsilon_{ij} \quad (1)$$

Donde Y_{ij} es la i -ésima observación del j -ésimo bloque, μ es la media general, τ_i es el efecto del i -ésimo tratamiento, β_j es el efecto del j -ésimo bloque y ε_{ij} es el error aleatorio considerado $NID(0, \sigma^2)$. Para el ajuste del modelo dado en (1), la variabilidad total, es descompuesta en:

$$SS_{tot} = SS_{treat} + SS_{blocks} + SS_{residual} \quad (2)$$

Lo común, para obtener las sumas de cuadrados dadas en (2), para ajustar el modelo dado en (1), consistía en utilizar el estimador de Mínimos Cuadrados (MC) para a través de sus ecuaciones normales e introduciendo algunas restricciones adicionales, realizar las estimaciones correspondientes. La estimación de estas cantidades, es posible obtenerlas de manera eficiente a través de la aplicación de la inversa generalizada para resolver de manera directa el sistema de ecuaciones resultantes y ajustar el modelo dado en (1) con el que se representa al modelo. Como se muestra en este artículo, con este método, es también posible construir la tabla de análisis de varianza para probar la adecuación del modelo. Los BIBD son frecuentemente utilizados ya que durante el proceso de experimentación con diseños

experimentales aleatorios, frecuentemente no es posible realizar todas las combinaciones de los tratamientos dentro de cada bloque debido a restricciones de recursos o tamaño del bloque entre otros. Para estos casos, es recomendable utilizar los diseños experimentales BIBD, debido a que estos diseños, tienen menos tiempo de experimentación y menos costo ya que son diseños incompletos en los que cada par de tratamientos ocurren juntos el mismo número de veces Montgomery (1991). Lamentablemente, en los cálculos de los efectos que los tratamientos tienen sobre la variable de respuestas en estos diseños incompletos dados por:

$$\tau = C^{-1}Q \quad (3)$$

donde τ , es un vector fila de efectos de los tratamientos, Q es un vector columna de efectos corregidos de los tratamientos dado por:

$$Q = T - nk^{\delta}B \quad (4)$$

$$C = r^{\delta} - nk^{-\delta}n^t \quad (5)$$

y C , es una matriz de información de $n \times n$, que generalmente resulta en una matriz singular, por lo que a través de los métodos clásicos, no es posible determinar su inversa C^{-1} para realizar la estimación. En el presente artículo, utilizamos la descomposición del valor singular de C , para determinar la matriz base ortogonal, que nos permita determinar la pseudoinversa de C dada por (C^+) (Inversa generalizada de Moore Penrouse), que utilizamos para estimar los efectos que los tratamientos tienen sobre la variable de respuesta. El método presentado en este artículo, puede ser utilizado para resolver problemas que presenten una matriz singular en el sistema de ecuaciones lineales, así como una forma alternativa para construir la tabla de análisis de varianza en la experimentación con los

BIBD. En la sección 2 se presentan las generalidades de los BIBD, en la sección 3 se presenta el método de construcción de la pseudoinversa, en la sección 4 se presenta el enfoque matricial de los BIBD, en la sección 5, se desarrolla una aplicación del enfoque matricial finalmente el artículo termina con los resultados y conclusiones en la sección 6.

2. DISEÑO BALANCEADO DE BLOQUES INCOMPLETOS (BIBD)

En general los diseños de bloques son arreglos experimentales diseñados para sistemáticamente controlar la variabilidad de fuentes externas. En particular, los diseños de bloques balanceados incompletos (BIBD), son arreglos en los que cada bloque contiene solo algunos de los tratamientos que serán comparados, por lo que reducen el tiempo y costo de experimentación. Las propiedades de los diseños balanceados

se debe a que cada par de tratamientos, ocurre juntos el mismo número de veces en el diseño. Raghavarao (1971), define un BIBD como un arreglo de v símbolos y b conjuntos en los que cada uno de los $k < v$ símbolos, deberán de satisfacer las siguientes condiciones:

1. Cada símbolo ocurre al menos una vez en cada conjunto.
2. Cada símbolo ocurre en exactamente r conjuntos.
3. Cada par de símbolos ocurran juntos en exactamente en λ conjuntos.

Los parámetros de un BIBD son v, b, r, k, λ , donde v es el número de variedades en el diseño, b es el número de bloques, r es el número de replicas en cada variedad, k es el tamaño del bloque y λ es el número de conjuntos en donde cada par de símbolos ocurre el cual deberá de satisfacer que $vr = bk$ y $\lambda(v-1) = r(k-1)$. Un diseño es simétrico si $v = b$ lo que genera como

consecuencia que $r = k$. Este tipo de diseños simétricos, son generalmente utilizados de un orden máximo de $v = b = 7$, restricción que puede ser eliminada a través de la construcción de diseños de mayor número de variedades y por supuesto de mayor número de bloques (Rodríguez, 2003). En la literatura existen varios métodos para la construcción de los BIBD tales como la construcción a través de diseños incompletos conocidos, a través de la matriz de Hadamard o por la construcción de geometrías finitas entre diseño, por lo que el diseño de bloques que se deberá de correr podría ser un diseño aleatorio balanceado de bloques incompletos (BIBD), [para la selección específica del diseño, el lector puede consultar la tabla de diseños (BIBD) presentado por Fisher y Yates (1953); Davies (1956) y Cochran y Cox (1957)]. El análisis estadístico para estos diseños,

otros. El método para la construcción del diseño utilizado en este artículo, fue a través del método de diferencias finitas dado por Bose (1939). Del mismo modo, cuando durante el proceso de experimentación, no es posible llevar a cabo todas las corridas experimentales de todas las combinaciones de los tratamientos, ya sea por restricciones de material, de costo u otro, pero todas las comparaciones entre los tratamientos tienen la misma importancia, las comparaciones deberán de ocurrir en forma balanceada en cada bloque del diseño, consiste en determinar la significancia de los efectos que los tratamientos y/o bloques tienen sobre la variable de respuesta, a través del análisis de varianza (*ANOVA*). El modelo estadístico que representa este diseño, es el que se definió en (1). Para este modelo, la suma total corregida, esta dada por (2) y puede ser rescrita como:

$$SS_{tot} = \sum_i \sum_j Y_{ij}^2 - \frac{(Y_{..})^2}{N} \quad (6)$$

donde $N = bk$ con b representando el número de bloques menos uno $b = (B - 1)$, k es el número de tratamientos menos uno dado por $k = (a - 1)$ y $Y_{..} = \sum_i \sum_j Y_{ij}$. Esta suma de cuadrados total puede ser descompuesta en $SS_{tot} = SS_{trat} + SS_{bloque} + SS_{error}$ donde sus componentes están dados por:

$$SS_{trat} = \frac{k \sum_i Q_i^2}{\lambda a} \quad (7)$$

$$SS_{bloque} = \sum_j \frac{Y_{.j}^2}{k} - \frac{(Y_{..})^2}{N} \quad (8)$$

$$SS_{error} = SS_{tot} - SS_{trat} - SS_{bloque} \quad (9)$$

donde Q_i representa el i -ésimo tratamiento corregido dado por $Q_i = Y_{i.} - \frac{1}{k} \sum_j n_{ij} Y_{.j}$ para $i = 1, \dots, a$ y λ es el número de veces que cada par de tratamientos ocurre en el mismo bloque y que es dado por $\lambda = \frac{r(k-1)}{a-1}$. Por lo que el análisis de varianza para este modelo se presenta en la tabla 1:

Tabla 1: Análisis de Varianza General para los BIBD		
Fuente de Variación	Suma de Cuadrados (SS)	Grados de Libertad (df)
Media	G^2 / bk	1
Bloques	$B^t B / k - G^2 / bk$	$b - 1$
Tratamientos	$Q^t \hat{t}_0$	$t - 1$
Error	$y^t y - Q^t \hat{t}_0 - B^t B / k$	$bk - b - t + 1$
Total	$y^t y$	bk

3. SEUDO-INVERSA

Considere el sistema lineal $Ax = y$, donde x y y son vectores columna de n y m elementos respectivamente y A , es una matriz de $(m \times n)$. Cuando $(m = n)$ y el determinante es desigual de cero $\det[A] \neq 0$, el sistema de ecuaciones tiene una solución dada por, $x = A^{-1}y$, donde A^{-1} , es la inversa de A tal que $A^{-1}A = AA^{-1} = I$. El problema analizado en este artículo, es para el caso general en el que A , sea una matriz rectangular o una matriz cuadrada singular. Este

3.1 Descomposición del Valor Singular

Desde que cualquier matriz A de $(m \times n)$ puede ser factorizada en $A = V \Sigma U^t$, donde A es la matriz de información, V son los eigenvectores de la matriz de covarianzas $C^t C$, U son los eigenvectores de CC^t y

problema, aparece en la estimación de Mínimos Cuadrados (OLS) (por sus siglas en ingles ordinary least square) cuando la matriz de covarianzas es singular. Para este problema, Hill (1997), introduce el concepto de inversa generalizada, principalmente haciendo uso del concepto de descomposición en valores singulares el cual es una herramienta poderosa para determinar la pseudoinversa que nos permite solucionar el sistema de ecuaciones cuando la matriz de covarianzas es singular.

$$\Sigma = \begin{pmatrix} \sigma_1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & \sigma_2 & 0 & 0 \\ M & M & O & M \\ 0 & 0 & \Lambda & \sigma_k \end{pmatrix} \text{ es una matriz}$$

diagonal con elementos diagonales dado por los valores singulares no negativos de $C^t C$. Del mismo modo, si C es una matriz cuadrada y Σ es una matriz invertible (es decir $k = n$ y todos los $\sigma_i > 0$), entonces $C^{-1} = V \Sigma^{-1} U^t$ donde V

y U son matrices ortogonales. Por otro lado, suponga que Σ^{-1} no existe debido a que al menos uno de los $\sigma_i = 0$ para $i = 1, \dots, k$, por lo que podemos particionar e invertir Σ para obtener

$$\Sigma^+ = \begin{bmatrix} D^{-1} & 0 \\ 0 & 0 \end{bmatrix} \quad (10)$$

donde $D = \begin{pmatrix} \sigma_1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & \sigma_2 & 0 & 0 \\ M & M & O & M \\ 0 & 0 & \Lambda & \sigma_k \end{pmatrix}$ es una matriz

diagonal con elementos diagonales dado por los valores singulares positivos. De esta forma, la seudo inversa obtenida, está dada por:

$$C^+ = V \Sigma^+ U^t \quad (11)$$

Al multiplicar (11) por la derecha por U y por la izquierda por C , obtenemos:

$$U = CV \Sigma^+ \quad (12)$$

Lo cual nos permite utilizarla en (11) y obtener la seudo inversa de C .

4. ENFOQUE MATRICIAL

Para el análisis de los BIBD a través de este enfoque, permítanos suponer que la

tabla 2 representa un diseño aleatorio de bloques balanceado incompleto (BIBD).

Tabla 2: Diseño Balanceado de Bloques Incompletos

Tratamientos	Bloques					T
	B ₁	B ₂	B ₃	...	B _b	Y _i
Q ₁		Y ₁₂	Y ₁₃	...	Y _{1b}	Y _{1.}
Q ₂	Y ₂₁	Y ₂₂		...	Y _{2b}	Y _{2.}
Q ₃	Y ₃₁		Y ₃₃	...	Y _{3b}	Y _{3.}
⋮	⋮	⋮	⋮	⋮	⋮	⋮
Q _a	Y _{a1}	Y _{a2}	Y _{a3}		Y _{ab}	Y _{a.}
Y _j	Y _{.1}	Y _{.2}	Y _{.3}	...	Y _{.b}	Y _{..}

Para determinar de este diseño los efectos que los tratamientos y bloques tienen sobre la variable de respuesta, en esta sección desarrollamos uno a uno los pasos necesarios para su aplicación. Los pasos son:

Paso 1.- De los datos de la tabla 2, determine el vector de tratamientos T , el vector de bloques B , el número r de veces que los tratamientos están presentes en el diseño y el número k de tratamientos que son probados en cada bloque, los cuales para los datos de la tabla 2 son:

$$T = \begin{bmatrix} Y_{1.} \\ Y_{2.} \\ Y_{3.} \\ M \\ Y_{a.} \end{bmatrix}, \quad B^t = \begin{bmatrix} Y_{.1} \\ Y_{.2} \\ Y_{.3} \\ M \\ Y_{.b} \end{bmatrix}^t, \quad r = (b-1) \quad y$$

$$k = (a-1)$$

Paso 2.- De la tabla 2, obtenga la matriz de incidencias n la cual para este caso es:

$$n = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 1 & 1 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$

Paso 3.- Obtenga el vector de tratamientos ajustados definido en (2) que para este método esta dado como $Q = T - nk^{-\delta} B$ donde δ (Deltha de Kroneker), es definida por $\begin{cases} 0, \dots, si \dots i \neq j \\ 1, \dots, si \dots i = j \end{cases}$.

Paso 4.- Obtenga la matriz de información C como se definió en (5).

$$C = r^{\delta} - nk^{-\delta} n^t$$

Paso 5.- Obtenga la pseudoinversa como se definió en (10) si C es una matriz singular o su inversa si C no es singular. Para propósitos de este artículo, permítanos asumir que C es una matriz singular de modo que a través de (10) obtenemos la pseudoinversa dada por $C^+ = V \Sigma^+ U^t$ a través de:

a) Obtener la matriz simétrica $C^t C$, sus eigenvalores $A = (\lambda_1, \lambda_2, \dots, \lambda_n)$ y sus eigenvectores $V = (v_1, v_2, \dots, v_n)$.

b) Determine los valores singulares de $C^t C$ dados por $\sigma_i = \sqrt{\lambda_i}$ y representados por $\Sigma^+ = (\sigma_1, \sigma_2, \dots, \sigma_n)$ para toda $\sigma_i > 0$.

c) Determine $U = \Sigma^+ C V$.

d) Obtenga la pseudoinversa a través de la ecuación (11).

Paso 6.- Obtenga el vector de efectos de los tratamientos $\hat{\tau}$ como se definió en la ecuación (1).

Paso 7.- Obtenga la suma total de cuadrados SS_{Tot} como se definió en (6).

Paso 8.- Obtenga la suma de cuadrados de los tratamientos SS_{Treat} como se definió en (7).

Paso 9.- Obtenga la suma de cuadrados de los bloques SS_{Block} como se definió en la ecuación (8).

Paso 10.- Obtenga la suma de cuadrados del error SS_{Res} como se definió en (9).

Paso 11.- Realice el análisis de varianza como se muestra en la tabla 3:

Fuente	Suma de Cuad(SS)	Grados de Libertad (df)
Bloques	$B'B/k - G^2/bk$	$b-1$
Tratamientos	$Q\hat{i}_0$	$t-1$
Error	$y'y - Q\hat{i}_0 - B'B/k$	$bk-b-t+1$
Total	$y'y - G^2/bk$	$bk-1$

Paso 12.- Concluya acerca de la hipótesis establecida.

5. APLICACIÓN DEL ENFOQUE MATRICIAL

Para la demostración del enfoque matricial, utilizamos un Diseño Balanceado por Bloques Incompletos (BIBD), originalmente publicado por Montgomery 2004 (Pág. 164), en el cual la variable de respuesta fue el desempeño de cinco tipos de aditivos para gasolina y los bloques fueron cinco carros. Los datos son analizados con un nivel de significancia de $\alpha = 0.05$. Los datos se presentan en la tabla 4.

Tabla 4: Datos del Desempeño de la Gasolina

Aditivo	Automovil					T
	1	2	3	4	5	Y_i
1		17	14	13	12	56
2	14			13	10	51
3	12			12	9	46
4	13	11	11			47
5	11	12	10			41
B	50	54	48	50	39	

5.1 Construcción de la tabla de Análisis de Varianza

Paso 1.- De la tabla 4 obtenemos.

$$T = \begin{bmatrix} 56 \\ 51 \\ 46 \\ 47 \\ 41 \end{bmatrix} \quad B^t = \begin{bmatrix} 50 \\ 54 \\ 48 \\ 50 \\ 39 \end{bmatrix} \quad r = (5-1) = 4, \quad k = (5-1) = 4.$$

Paso 2.- La matriz de incidencias es.

$$n = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 1 & 1 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$

Paso 3.- El vector de tratamientos es.

$$Q = \begin{pmatrix} 56 \\ 51 \\ 46 \\ 47 \\ 41 \end{pmatrix} - \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 1 & 1 & 0 & 1 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} 1/4 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1/4 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1/4 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 1/4 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1/4 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} 50 \\ 54 \\ 48 \\ 50 \\ 39 \end{pmatrix}$$

$$Q = \begin{pmatrix} 33/4 \\ 11/4 \\ -3/4 \\ -7/2 \\ -27/4 \end{pmatrix}$$

Paso 4.- La matriz de información C es.

$$C = \begin{pmatrix} 4 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 4 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 4 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 4 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 4 \end{pmatrix} - \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 1 & 1 & 0 & 1 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} 1/4 & 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1/4 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1/4 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 1/4 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 & 1/4 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 1 & 1 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$

$$C = \begin{pmatrix} 3 & -3/4 & -3/4 & -3/4 & -3/4 \\ -3/4 & 3 & -3/4 & -3/4 & -3/4 \\ -3/4 & -3/4 & 3 & -3/4 & -3/4 \\ -3/4 & -3/4 & -3/4 & 3 & -3/4 \\ -3/4 & -3/4 & -3/4 & -3/4 & 3 \end{pmatrix}$$

Paso 5.- Aplicando el proceso descrito en el paso 5 de la sección 4, la pseudoinversa es.

$$C^+ = \begin{pmatrix} 0.2132 & -0.0533 & -0.0533 & -0.0533 & -0.0533 \\ -0.0533 & 0.2132 & -0.0533 & -0.0533 & -0.0533 \\ -0.0533 & -0.0533 & 0.2132 & -0.0533 & -0.0533 \\ -0.0533 & -0.0533 & -0.0533 & 0.2132 & -0.0533 \\ -0.0533 & -0.0533 & -0.0533 & -0.0533 & 0.2132 \end{pmatrix}$$

Paso 6.- El vector de efectos de los tratamientos es.

$$\hat{r} = \begin{pmatrix} 16/75 & -4/75 & -4/75 & -4/75 & -4/75 \\ -4/75 & 16/75 & -4/75 & -4/75 & -4/75 \\ -4/75 & -4/75 & 16/75 & -4/75 & -4/75 \\ -4/75 & -4/75 & -4/75 & 16/75 & -4/75 \\ -4/75 & -4/75 & -4/75 & -4/75 & 16/75 \end{pmatrix} \begin{pmatrix} 33/4 \\ 11/4 \\ -3/4 \\ -7/2 \\ -27/4 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 11/5 \\ 11/5 \\ -1/5 \\ -14/5 \\ -9/5 \end{pmatrix}$$

Paso 7.- La suma total de cuadrados es.

$$SS_T = (17 \ 14 \ 13 \ 12 \ 14 \ 14 \ 13 \ 10 \ 12 \ 13 \ 12 \ 9 \ 13 \ 11 \ 11 \ 12 \ 11 \ 12 \ 10 \ 8) \begin{pmatrix} 17 \\ 14 \\ 13 \\ 12 \\ 14 \\ 14 \\ 13 \\ 10 \\ 12 \\ 13 \\ 12 \\ 9 \\ 13 \\ 11 \\ 11 \\ 12 \\ 11 \\ 12 \\ 10 \\ 8 \end{pmatrix} - \frac{(241)^2}{20} = 76.95$$

Paso 8.- La suma de cuadrados de los tratamientos es.

$$SS_{TRATAMIENTOS} = (33/4 \quad 11/4 \quad -3/4 \quad -7/2 \quad -27/4) \begin{pmatrix} 11/5 \\ 11/15 \\ -1/5 \\ -14/15 \\ -9/5 \end{pmatrix} = 35.73$$

Paso 9.- La suma de cuadrados de los bloques es.

$$SS_{BLOQUES} = \frac{1}{4} (50 \quad 54 \quad 48 \quad 50 \quad 39) \begin{pmatrix} 50 \\ 54 \\ 48 \\ 50 \\ 39 \end{pmatrix} - \frac{(241)^2}{20} = 31.20$$

Paso 10.- La suma de cuadrados del residual es. *re*

$$SS_{RESIDUAL} = 79.95 - 35.73 - 31.20 = 10.02$$

Paso 11.-El análisis de varianza se presenta en la tabla 5.

Tabla 5: Análisis de Varianza para el BIBD con un Enfoque Matricial

Fuente	Sum de Cuadrados (SS)	Grados de Lib. (df)	Cuad. Medios CM	F
Tratamientos	35.73	4	8.93	9.81*
Bloques	31.20	4	7.80	8.57*
Residual	10.02	11	0.91	
Total	79.95	19		

*Significante a $\alpha = 0.05$

Paso 12.- Conclusión acerca de la Hipótesis.

Para un nivel de significancia de $\alpha = 0.05$, el valor crítico de la distribución F esta dado por $F_{0.05, 4, 11} = 3.36$, por lo que se rechaza la hipótesis nula $H_0 : \tau_1 = \tau_2 = \tau_3 = \tau_4 = 0$ y se

concluye que si existe diferencia entre las medias de los tratamientos. Dado que el análisis hasta aquí realizado, no refleja exactamente cual tratamiento presenta esta diferencia, nosotros recomendamos al lector realizar la prueba de rangos múltiples de Duncan entre otros métodos

para determinar la diferencia entre tratamientos.

6. CONCLUSIONES

El enfoque matricial para la solución de problemas en los que intervienen varias variables, es eficiente desde el punto de vista computacional y particularmente, el enfoque presentado en este artículo, permite a través de la inversa generalizada de Moore Penrouse, determinar una solución factible para un sistema de ecuaciones lineales, cuando como en este caso, el sistema presenta una matriz singular. La inversa generalizada, nos permite construir la tabla de análisis de varianza para determinar a través de ella la significancia de los factores y la falta de ajuste del modelo.

BIBLIOGRAFIA:

Bose R. C. 1939. On the Construction of Balanced Incomplete Block Design. *Annals of Eugenics* 9 pp 353-399.

Cochran W. G. and G. M. Cox. 1957. *Experimental Design*. 2a ed. Wiley, New York.

Davies O. L. 1956. *Design and Analysis of Industrial Experiments*. 2a ed. Hafner Publishing Company New York.

Fisher R. A. and F. Yates. 1953. *Statistical Tables for Biological, Agricultural and Medical Research*. 4a ed. Oliver and Boyd, Edimburgo.

Hill R. O. Jr. 1997. *Álgebra Lineal con Aplicaciones*, tercera edición. Prentice Hill Iberoamericana S. A.

Montgomery D. C. 1991. *Diseño y Análisis de Experimentos*, Grupo Editorial Iberoamérica S. A. de C. V.

Montgomery D.C. 2004. *Diseño y Análisis de Experimentos*. Editorial Limusa S.A. de C.V. México, D.F.

Preece D. A. 1967. Nested Balanced Incomplete blocks designs. *Biometrika* No54 Vol 3 and 4, pp479-486.

Raghavarao D. 1971. *Construction and Combinatorial Problem in Design of Experiments*. Dover publications Inc. New York, pp 65-76.

Rodríguez M. A. 2003. *Enfoque Matricial para la Construcción y el Análisis de Varianza de Diseños de Bloques Incompletos Balanceados y con Renglones y Columnas Anidados*. (Tesis Doctoral) ITCJ, Chihuahua México. (No publicada).

Singh M. and A. Dey. 1979. Block Design with Nested Rows and Columns. *Biometrika* No. 66. Vol. 2, pp 321- 326.